



## Master project 2024-2025

### Personal Information

<b>Supervisor</b>	Dietmar Fernández Orth
<b>Email</b>	dfernandez@cerba.com
<b>Institution</b>	Cerba Internacional
<b>Website</b>	<a href="http://www.cerba.com">www.cerba.com</a>
<b>Group</b>	Biologia Molecular y Bioinformatica

### Project

## Computational genomics

#### Project Title:

Desarrollo de un workflow de analisis de NGS

#### Keywords:

NGS, GATK, bam, vcf,

#### Summary:

El estudiante se encargará del desarrollo de un pipeline de analisis de detección de variantes y CNVs basándose en las directrices establecidas en GATK. Se desarrollarán herramientas que permitan la lectura de los resultados en formato "user friendly". Los resultados obtenidos se enlazarán en una plataforma de analisis terciario que permitira realizar una interpretación clinica de los resultados obtenidos. Se ofrece un ambiente laboral agradable y la posibilidad de ver como se desarrolla el trabajo con muestras clinicas.

#### Expected skills:

Conocimiento de NGS, recomendable bash y R/python.

#### Possibility of funding:

To be discussed

#### Possible continuity with PhD:

To be discussed

#### Comments:

Horario de mañana en las instalaciones centrales de Sabadell. Se podría estudiar un modelo hibrido de trabajo/teletrabajo.